>gi|1625638459|ref|NW\_021640162.1|:c145788-142970 [Candida] auris strain B11221 chromosome Unknown scaffold00002, whole genome shotgun sequence

CTGCGTCGTCGAGAATCAGACTGGCCACATTGTCGAACGCCAGAAGGAAGCGGTGGGTGTAGGTTATCGA

TGGACATGATTGATGAAGCAAATGGCTGCGAAAAAGGTATCAGAGAGAAGAGCCAAGATACCCAGAAGGT

GGAAGAATTTGAGTGGAGCAACAATTCAAGAAATGACCTTACCAAAGATGGTGAGGAGGTCAAACGAATC

AACACTAGTTCGTGATTGAATTTTGTATGCATCGAAATTTCCTGCTGCTCCAGTCGTGGTTAGGCCCAAA

GATAAGATTCTGAGGAGTTTGTTTGGAACGGTGCCAGCAAGTTTCATGACTTACCAGTAATACCAAGACT

CCCTTCAAGCCTGCATCAGTCACTTGGTGTCACTGACAGCTACTACCTTTAGCGATCAGAAGTCTTCCAT

TTTACGTGCTACGCCGACTGTTCGGTGGTTGAGTTCTAAACTCCACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAA

TCAGCAAATTTTTGAGATTCCGTCTTTCAAGCCCTTGAACTTTTTCGAATCCACTTCGTCCACATGAGCC

AAAATATCAGCCTACTTTGAATTTTTACATTTGTTTGGATCCACGGCCGTCTTTGTCCCTTGCTAGCCGC

GCATTTCAAAACAGGTGGGAGGATGCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATCGCGAGTGTGTG

TACGCTTGAACAGGCACAGCCTTTTTCCTTTTTTTTCTCCTACCATACCACCTTCCGAGCTTACCAGCTG

GTTTTTCCTAAACTAAGCATCTCAAGCACACTTGTGTCTTAGTATTTCATTCTGAGCCTTTGTTGTCTTT

CTTGCTAGCAAGACATCAGCTGACCTTATCTTCCACGCTACATCATTCCCCGTTTCGTTGATATAAGCAA

CCTCACCTCATCCTCATAACATTCGCTTTCGGTGAAGAATCACAAAATTTCCCAGCATCCATCAGCATTT

TTACATAATTATTGCACATTATGTACCTCTTCACTTTACTTGCTACGTTTTTCGCCCTTCTCGGCTTGAC

CGTCGCCGATGTTGAAATCACCAAACCTGCCACTGGCGAGTCCTTCAGTGCCTCTGGAGGCTCGGCCAAG

GTCAGTATCCAATGGAAGGATACCTCCGACAGTAAGGATGATGCAGACTCTCTCTCAAAGGTCCAATCCT

ACGCCATTGTGTTGTGCACGGGGCCAAACTCGGACATCAGTGCTGTCAAGGCACTCGAAAAGAAGTTGAA

GGCTGGTTCCACGTCATACGAGGCCACCATAGACGCCAATATTGGTCCAAACGGCCAGTACTTTATCCAG

GTGTACGCTGTGTACCCTGACAATGGCCACTCCATTTATTATACCAACAGATTCAAGTTGACGGACATGA

AAGGTGAGGCAGACACGTACACTTTTCCTGCCAGTTACTTCTCTATTTCTGGTGACCAGCCACTGCCTCA

GCCTTACGCTGCTGCTCAGCCGACGAATATAAACTCGAAATCCTTTTCTGTCACTTACACCTTGCAAACT

GGTAAGACAAAGTTTGCGCCAATGCAGACCCAGCCGGGCTCTACGGTGACTGCCACGACATACTCTAGAA

GGCATCCAACGTCAGCGTACACTCCTTACAAGTCCTACAGTCCCTCGCCCAACGCTTTGTCCACCATCAC

CCCTGGATGGGACTACACGGTGGTATCAAAGGTGAACAGTGCGTCAGTGGCTGGCTACCCTACAGAGTTT

TACCCAGCATCTTCAAGAGTGAGGCAAGCAACACTCAGTGCTCAGAAGAGAAGAAGATGGCTTGAGTAAA

TGGATATTTCAGTAATTGTTATTTTGGTATAGTGAATGAAAAGTTCTAGGGTTACATATAGAGTCCATTG

TCTTGGAAGGTGAATTTGTGAGAATGCGGTTGATCATCAGCTAGGTGGTACAGTTTCATAATGTGAAGCG

TCTTCTTTGTTTGAAGGGGAGCTTTCCCTGTTTCTACCGGTTGTCTTACACCTGCTAATGTAGGTTTTAT

GACGAAGTATGAGTATCTGCGGAAATCTGTTAAGCTCACATCGCGACTGAGTCAAGTGTCTTACTCCCAG

ACAGAATCCTCAAGTTGAGGGCAAAATCACGTAAATAGATACTTCTTTATAATGAAATCAGAAAGCTCAT

GAATTATTTATCACCGTCAGCCTTTTTTTATACCTCACTTGTTTGGGTATTGATTGAACTGTGGACTAAA

GGCAGTGGGGAGTGCATGCAGCCAGGGATCGATAAGTATACTGTTCTTGTTGATTATCGGCACCAAGAAC

GTCAACACAAGTTTAATAAGCATACTACAGCTGGAGGATGTTCAGAAGGCTATCGCGACTGAGTCAAGTG

TCTTACTCCCAGACAGAATCCTCAAGTTGAGGGCAAAATCACGTAAATAGATACTTCTTTATAATGAAAT

CAGAAAGCTCATGAATTATTTATCACCGTCAGCCTTTTTTTATACCTCACTTGTTTGGGTATTGATTGAA

CTGTGGACTAAAGGCAGTGGGGAGTGCATGCAGCCAGGGATCGATAAGTATACTGTTCTTGTTGATTATC

GGCACCAAGAACGTCAACACAAGTTTAATAAGCATACTACAGCTGGAGGATGTTCAGAAGGCTTCTGACG

GCGACAGTCACTTTTTTCCAGTCCTTCTTTTTACAAGAACACCAGCTATCGTCAGCTCAAAAATGGGTGC

TCGGATTAGTCAACTTAGCAGCTGTGGTGCTCTTCTGGGTGCTGTCGTCATTCCTTGTGAACGACTTGTT

CGAAACTAAGATCTACCGA